



26
JUIN.
2008

🕒 de 12h15 au 13h15

SÉMINAIRE

Approche comparative de l'optimisme dans les modèles intégrant des variables clinico-biologiques classiques et des gènes.

Caroline Truntzer

IR, Plateforme protéomique CLIPP, Dijon

Avec l'introduction des biopuces dans le domaine clinique, certains auteurs ont affirmé que les biomarqueurs issus de l'étude du transcriptome avaient de meilleures capacités prédictives que les biomarqueurs clinico-biologiques connus jusqu'à maintenant. Cependant, les deux types de variables sont dans des situations très différentes ; si la plupart des biomarqueurs cliniques ont été validés, la phase de sélection est encore pleinement d'actualité pour les biomarqueurs transcriptomiques. L'objectif de ce travail a été de quantifier l'optimisme relatif aux variables transcriptomiques d'une part, et aux clinico-biologiques classiques d'autre part, quand les deux types de variables sont introduits dans un même modèle de survie. Le R_2 de Kent et O'Quigley a été utilisé à cet effet. Basé sur des simulations, ce travail a permis de montrer comment le processus de sélection introduisait un fort optimisme dans le cas des gènes. Contact : Mme Mariéthé CHAUMEIL. Inscription gratuite mais obligatoire avant le mardi 24 juin 2008