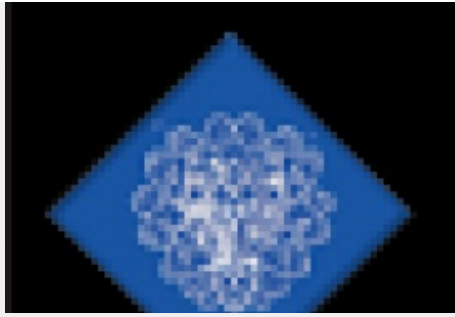




([https://lbbe.univ-lyon1.fr/sites/default/files/styles/img\\_\\_\\_1280x768\\_\\_\\_image\\_scale\\_\\_\\_crop\\_main/public/media/images/arton4670.png?itok=vv2l2qon](https://lbbe.univ-lyon1.fr/sites/default/files/styles/img___1280x768___image_scale___crop_main/public/media/images/arton4670.png?itok=vv2l2qon))

## **Publication du livre "Genome Analysis: Current Procedures and Applications" (edited by Maria S. Poptsova) dans lequel Laurent Modolo (doctorant) et Emmanuelle Lerat (CR CNRS) ont écrit un chapitre intitulé " Identification and Analysis of Transposab...**

*Publié le 18 août 2013*

Ce chapitre est consacré à la revue des développements bioinformatiques actuels concernant la détection d'éléments transposables (ET) dans les séquences génomiques produites par l'approche classique Sanger mais aussi par les méthodes de "Next Generation Sequencing" (NGS). Nous proposons aussi des exemples d'outils permettant de répondre à des questions particulières concernant les ET via des données NGS et comment ces données peuvent être particulièrement utiles pour la compréhension de la dynamique de ET.