12
OCT.
2017

de 11h à 12h

SÉMINAIRE

Le séquençage et l'assemblage de génomes de référence à partir de données PacBio et Oxford Nanopore

Jérôme Gouzy
INRA de Toulouse

Depuis 2015, les avancées des technologies de séquençage PacBio et Oxford Nanopore ont bouleversé les projets de séquençages génomiques. Les chromosomes bactériens et les bras chromosomiques des génomes eucaryotes peuvent être assemblés en une seule séquence. La qualité des assemblages atteint si ce n'est dépasse les assemblages de références Sanger des années 2000, les centromères et télomères alors souvent non résolus deviennent désormais analysables. Les résultats sur plusieurs espèces de bactéries, champignons et plantes seront présentés afin d'illustrer les réussites de cette rupture technologique mais aussi les cas qui restent encore non parfaitement résolus.

URL de la page : https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/agenda/le-sequencage-et-lassemblage-de-genomes-de-reference-partir-de-donnees-pacbio-et-oxford?is_pdf=true