



PÔLES TECHNIQUES

PÔLE INFORMATIQUE

SIBERCHICOT Aurélie

INGÉNIEURE D'ÉTUDES

UCBL

📍 43 bd du 11 novembre 1918
69622 VILLEURBANNE cedex (<http://maps.google.com/maps?q=43%20bd%20du%2011%20novembre%201918+69622+%20VILLEURBANNE%20cedex>)
☎ 330472448598

@ Courriel



En tant qu'**ingénieur logiciel**, mon activité consiste à concevoir, développer, déployer et maintenir des outils d'analyse de données biologiques. Experte du langage et logiciel **R**, je suis responsable de nombreux **packages R** disponibles sur CRAN, Bioconductor, GitHub et GitLab et d'applications web développées avec le package **shiny**. Je suis ponctuellement mais régulièrement associée à des **formations** et à des modules d'enseignements, et partage, à ces occasions, mes connaissances et mon expérience concernant la **reproductibilité de la recherche** et les **bonnes pratiques de développement**.

> GitHub :

[aursiber](#) ↗

> ORCID :

[0000-0002-7638-8318](#) ↗

> HAL : aurelie-siberchicot

Ecologie Evolutive

- > **ade4** (Multivariate data analysis and graphical display) :

[CRAN](#) ↗

—

[GitHub](#) ↗

—

[book](#) ↗

- > **ade4TkGUI** (A Tcl/Tk GUI for some basic functions in the ade4 package) :

[CRAN](#) ↗

—

[GitHub](#) ↗

- > **adegraphics** (Graphical functionalities for the representation of multivariate data) :

[CRAN](#) ↗

—

[GitHub](#) ↗

—

[article](#) ↗

—

[talk](#) ↗

- > **CINID** (Package on the Curculionidae INstar IDentification) :

[CRAN](#) ↗

—

[article](#) ↗

- > **Interatrix** (Compute Chi-Square Measures with Corrections) :

[CRAN](#) ↗

—

[article](#) ↗

- > **OnAge** (Implements a likelihood ratio test of differential senescence onset between two groups) :

[CRAN](#) ↗

—

[web](#)

- > Analyse de données issues du *International Tiger Studbook* et du *International and North American Regional Studbooks for Ruffed Lemurs* –
[article](#) ↗
–
[article](#) ↗
- > Programme *Potenchêne* (Gip ECOFOR, BGF) –
[article](#) ↗
- > Programme *AGEX* (ANR-15-CE32-0002-01) –
[article](#) ↗
- > Programme *CoCoReCo* (ANR JC09-470585) –
[article](#) ↗
- > site web d'Enseignements de Statistique en Biologie :
<http://pbil.univ-lyon1.fr/R/> ↗

Ecotoxicologie

- > **DRomics** (Dose Response for Omics) :
[CRAN](#) ↗
–
[GitHub](#) ↗
–
[shiny app](#) ↗
–
[web](#)
–
[article](#) ↗
–
[IFB cloud appliance](#) ↗
- > **GUTS-predict** (General Unified Threshold Model of Survival) :
[shiny app](#) ↗
- > **rbioacc** (Inference and Prediction of Toxicokinetic (TK) Models) :
[CRAN](#) ↗
–
[GitLab](#) ↗

Génétique et génomique

> **kissDE** (Retrieves Condition-Specific Variants in RNA-Seq Data) :

[Bioconductor](#) 

–

[GitHub](#) 

> **LDcorSV** (Linkage Disequilibrium Corrected by the Structure and the Relatedness) :

[CRAN](#) 

–

[article](#) 

> **MareyMap** (Estimation of Meiotic Recombination Rates Using Marey Maps) :

[CRAN](#) 

–

[GitHub](#) 

–

[web](#)

–

[shiny.app](#) 

–

[article](#) 

> **Mondrian** (A Simple Graphical Representation of the Relative Occurrence and Co-Occurrence of Events) :

[CRAN](#) 

–

[GitHub](#) 

–

[shiny.app](#) 

Statistiques

> **fitdistrplus** (Help to Fit of a Parametric Distribution to Non-Censored or Censored Data) :

[CRAN](#) 

–

[GitHub](#) 

–

[web](#)

> **nlsMicrobio** (Nonlinear Regression in Predictive Microbiology) :

[CRAN](#) 

–

[GitHub](#) 

> **nlstools** (Tools for Nonlinear Regression Analysis) :

[CRAN](#) 

–

[GitHub](#) 

Services

> **serveur shiny** :

<http://lbbe-shiny.univ-lyon1.fr> 

Comité d'organisation et de programme

- > *Preditox*, Ecole de Formation,
[2020](#) [↗](#)
&
[2021](#) [↗](#)
, Lyon (comité scientifique)
- > [7èmes Rencontres R](#) [↗](#)
, Conférence, juillet 2018, Rennes (comité de programme)
- > [R pour le calcul.](#) [↗](#)
Action Nationale de Formation CNRS, octobre 2015, Aussois (co-organisatrice)
- > [2èmes Rencontres R](#) [↗](#)
, Conférence, juin 2013, Lyon (comité d'organisation) –
[article](#) [↗](#)

Formations et enseignements

- > UE *Visualisation de Données Biologiques*, M2
[Bio-informatique](#) [↗](#)
de Lyon
- > [Programmer avec R : du plus simple ou plus complexe](#) [↗](#)
, Groupe Lyon Calcul
- > [Construire votre propre package en R](#) [↗](#)
, ANF CNRS

Jury

- > Concours externe ENS (2021) - BAP A- IE - Ingénieur-e biologiste en traitement des données
- > Concours externe INRA (2019) - Experte - BAP E - AI - Assistant-e statisticien-ne
- > Concours externe INRA (2019) - BAP E - IE - Administrateur-trice des systèmes d'information
- > Concours externe CNRS (2017) - Experte - BAP E - IE - Ingénieur-e en ingénierie logicielle - 2 postes

Encadrement



- › Eliane Schermer, stage M2 et thèse, Modélisation en écologie (2015-2019)
- › Luka Matsuda, stage L3, Bioinformatique, Statistique et Modélisation (2018)
- › Adrien Bessy, stage M2, Bioinformatique (2015)